为癌症研究而精选的全面基因组合

通过靶向基因表达分析加快癌症研究

随着癌症研究从发现阶段转向验证阶段,靶向分析流程 将帮助您高效地对假设进行验证,并探索对研究最重要的细 胞类型和生物标志物。10x Genomics为靶向基因表达分析推 出了人类泛癌症基因组合(Human Pan-Cancer Panel),它 包含来自癌症基因组图谱计划(TCGA)和最新文献的精选内 容,让您能够从单细胞和完整组织切片中分析对了解肿瘤生 物学、肿瘤微环境和免疫应答至关重要*的关键通路和生物 标志物。

人类泛癌症基因组合包含1,000多个基因,覆盖33种癌 症类型,旨在加快您对癌症生物学复杂性的了解。利用这种 预先设计的基因组合,或加入您感兴趣的基因对其进行定 制,您可以更深入地了解那些在肿瘤发生、增殖和转移中发挥 关键作用的通路。人类泛癌症基因组合与Chromium单细胞 基因表达和单细胞免疫分析解决方案以及Visium空间基因表 达解决方案兼容*,实现了全面而高效的癌症样本鉴定。

亮点

- 覆盖1,253个靶基因,适用于各类肿瘤、肿瘤微环 境和肿瘤免疫状态的分析
- 包含来自癌症基因组图谱计划(TCGA)、最新文献和癌症专家的精选内容,覆盖33种癌症、关键标志物、通路以及细胞类型的特征
- 与10x Genomics的解决方案兼容,包括单细胞和 空间*基因表达分析
- 可定制的基因组合内容,利用基因组合定制化工具(Custom Panel Designer)最多可自行添加200个基因
- 跨基因转录本的全拼接,每个基因平均有40个 探针
- 基因内容经过不同样本类型的验证,包括新鲜、 冷冻或固定的细胞系和组织

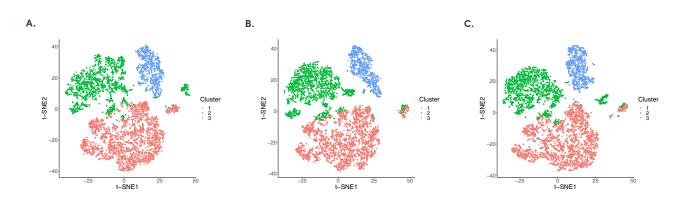


图1. 靶向分析的样本保留了细胞类型的聚类和注释。利用Chromium单细胞基因表达3' v3工作流程对大约6,000个胶质母细胞瘤细胞进行分析后的代表 性数据。A. 全转录组分析鉴定出三个主要的细胞类型簇,每个细胞的测序深度为70,000条序列(约60%的测序饱和度)。B. 基于对人类泛癌症基因组合所含 基因的计算机富集进行细胞聚类。C. 基于对人类泛癌症基因组合所含基因的靶向富集进行细胞聚类,每个细胞的测序深度降至2,000条序列。与全转录组亲 本样本相比,所有主要的细胞亚群得以保留。



通路	相关基因数
B细胞受体信号通路	50
cAMP信号通路	60
趋化因子信号通路	48
FoxO信号通路	57
Glucagon信号通路	56
Hedgehog信号通路	65
Hippo信号通路	56
胰岛素信号通路	45
Jak-STAT信号通路	124
MAPK信号通路	165
mTOR信号通路	51
NF-kappa B信号通路	46
Notch信号通路	87
p53信号通路	49
PI3K-Akt信号通路	211
Ras信号通路	150
T细胞受体信号通路	84
TGF-beta信号通路	79
TNF信号通路	70
Toll样受体信号通路	56
Wnt信号通路	84

表1. 基因组合设计亮点:通路基因人类泛癌症基因组合所包含的关键通路 基因类别。

癌症组织类型	相关基因数
急性髓系白血病	110
	6
膀胱癌	180
	20
	196
	34
结肠癌	8
	143
	25
上皮性卵巢癌	90
食管腺癌	139
食管癌	20
胃癌	24
头颈癌	41
 肾癌	15
 肝癌	16
	177
黑色素瘤	70
非小细胞肺癌	55
	19
卵巢癌	140
胰腺癌	94
前列腺癌	128
直肠癌	6
	43
睾丸癌	9
甲状腺癌	53
膀胱癌	3

表2. 基因组合设计亮点: 癌症组织类型人类泛癌症基因组合所包含的关键癌症组织类型的类别

细胞进程	相关基因数
乙酰化	306
细胞凋亡	93
ATP结合	195
细胞周期	106
癌症中的中心碳代谢	65
染色体重排	98
细胞分化	95
DNA修复	74
DNA复制	62
粘着斑	119
自然杀伤细胞介导的细胞毒性	76
核苷酸切除修复	56
核苷酸结合	222
癌症中的蛋白聚糖	65
转录调控	283
癌症中的转录失调	115
泛素介导的蛋白水解	57

表3. 基因组合设计亮点:细胞进程人类泛癌症基因组合所包含的关键细胞 进程基因的类别

产品	产品货号
Target Hybridization Kit, 16 rxns	1000248
Library Amplification Kit, 16 rxns	1000249
Human Pan-Cancer Panel, 4 rxns	1000260
Human Pan-Cancer Panel, 16 rxns	1000247
Custom Panel Designer	即将推出

兼容产品

Chromium单细胞基因表达解决方案
10xgenomics.com/cn/single-cell

Chromium单细胞免疫分析解决方案 10xgenomics.com/cn/vdj

Visium空间基因表达解决方案* 10xgenomics.com/cn/spatial-gene-expression

*针对靶向空间基因表达优化的实验方案、支持和软件将于2020年9月推出。

- 分析靶向和组合疗法的应答情况
- 通过功能性生物标志物的分析为临床试验提供信息
- 肿瘤与免疫细胞的相互作用
- 肿瘤异质性和微环境
- 肿瘤发生的转移的机制

精选内容来源

- C Kandoth et al., Mutational Landscape and Significance Across 12 Major Cancer Types. *Nature*. 502, 333–339 (2013).
- 2. KA Hoadley et al., Cell-of-Origin Patterns Dominate the Molecular Classification of 10,000 Tumors from 33 Types of Cancer. *Cell.* 173, 291–304e6 (2018).
- MH Bailey et al., Comprehensive Characterization of Cancer Driver Genes and Mutations. *Cell*. 173, 371– 385e18 (2018).
- 4. The Cancer Genome Atlas Research Network (TCGA)

10x Genomics资源

我们致力于通过提供多种有用的资源,帮助您充分利用10x Genomics系统:

10x大学

欢迎体验10x大学,这是一个全面的分步式学习和培训环境,含有视频教程和培训课程。 10xgenomics.com/cn/10x-university

支持

欢迎访问支持页面,获取能够帮助您充分利用10x Genomics产品的文档、软件和数据集。 support.10xgenomics.com

解决方案和产品

除了提供完整的解决方案,我们还提供不断增加的服务内容,以帮助您找到研究问题的答案。 10xgenomics.com/cn/products

10x Genomics资料库

轻松访问我们完整的资料库,它包含产品资料、客户文献、 应用指南、操作方案及许多有用的资源。 10xgenomics.com/cn/resources/library

10x Genomics兼容产品

访问我们主要合作伙伴的产品列表,这些产品经过认证,与 我们的多个解决方案兼容。 10xgenomics.com/cn/compatible-products

10x博客

随时了解10x Genomics的博客,在这里您可以找到丰富的 内容,从最新的10x新闻,到各种小贴士小技巧。 10xgenomics.com/blog

联系我们

10x Genomics 6230 Stoneridge Mall Road Pleasanton, CA 94588-3260

info@10xgenomics.com

+1 925 401 7300 +1 800 709 1208

10xgenomics.com/cn

了解美国、欧洲和亚洲的更多办事处,请访问:

10xgenomics.com/cn/company/#locations



请访问 10xgenomics.com/cn 了解更多

© 2020 10x Genomics, Inc. FOR RESEARCH USE ONLY. NOT FOR USE IN DIAGNOSTIC PROCEDURES. LIT000082-CN Rev B Human Pan-Cancer Panel Product Sheet

